

Nr.	Eigenschaften	exaota	exaota	exaota Basic	exaota Basic
		Gewebe- und Blutbasiert	Blutbasiert	Gewebe- und Blutbasiert	Blutbasiert
1)	Analysierte Gene	511 Gene	411 Gene	511 Gene	411 Gene
2)	Fusionen / InDels	51 Gene	12 Gene	51 Gene	12 Gene
3)	Amplifikationen	354 Gene	409 Gene	354 Gene	409 Gene
4)	Chemoresistenzprofil zytotoxischer Substanzen	bis zu 70 Substanzen	bis zu 70 Substanzen	bis zu 70 Substanzen	bis zu 70 Substanzen
5)	mTOR, EGFR, VEGFR1, VEGFA, VEGFR2 Expressionsanalyse durch ICC	✓	✓	✓	✓
6)	Genexpression: ca. 20.800 Gene	✓ (Gewebe)	✓ (Exosomal)	✗	✗
7)	TMB	✓ (TMB)	✓ (Blut TMB)	✓ (TMB)	✓ (Blut TMB)
8)	Mikrosatelliteninstabilität / Mismatch repair proteins	✓ (MSI/MMR)	✓ Keimbahnsequenzierung von MMR Genen	✗	✗
9)	IHC Analyse	✓	✗	✗	✗
	AR, PD-L1 28-8 und 22C3 IHC Analyse (für alle soliden Tumore)	✓	✗	✗	✗
	HER2 IHC Analyse (Brust, Endometrium, Speiseröhre, Magen, Darm, Gallenblase)	✓	✗	✗	✗
	ER, PR IHC Analyse (Brust, Eierstöcke, Endometrium)	✓	✗	✗	✗
10)	Anzahl der zirkulierenden Tumorzellen	✓	✓	✓	✓
11)	Blutbasierte HMAF	✓	✓	✗	✓
12)	Pharmakogenetik	✓	✓	✗	✗
13)	Gleichzeitige Analyse von Gewebe-DNA und zellfreier DNA	✓	✗	✗	✗
14)	BRCA1/2-Gen-Sequenzierung	✓	✗	✓	✗
15)	BRCA1/2 MLPA Analyse (Brust, Eierstöcke, Pankreas, Prostata)	✓	✓	✗	✗
16)	Komplementäre Substanzen	Basierend auf RNA, optional Chemosensitivität	Basierend auf RNA, optional Chemosensitivität	Optional	Optional

HMAF: Highest mutant allele frequency

MLPA: Multiplex ligation-dependent probe amplification